

¿Qué implicaciones tienen las mutaciones en el SARS-CoV-2?

- Durante la replicación de los virus en las células se producen **mutaciones en el genoma viral**, que quedan fijadas en su descendencia si le confieren ventajas selectivas. En general, la tasa de mutación de los virus con genoma de ARN (como es el SARS-CoV-2) resulta mayor que la de los virus con ADN.
- El análisis de la secuencia del SARS-CoV-2 en **aislados clínicos** de todo el mundo muestra que la tasa de mutación de este virus es **menor que la de otros virus ARN**, como el de la gripe.
- Las diferentes **mutaciones en la proteína de la espícula (S)** del SARS-CoV-2 [Ficha #InfoSEV nº 2], entre ellas la D614G, no se han relacionado con una mayor infectividad del virus.
- Hasta el momento **los datos no indican que estén circulando distintas cepas del virus**, que muestren diferencias en su transmisibilidad, antigenicidad o virulencia.
- De cara al futuro, es importante detectar mutaciones que puedan originar virus **resistentes a fármacos** o **variantes de escape a las vacunas** que se administren a la población.
- Se debe seguir analizando aislados del SARS-CoV-2, pues **es imposible predecir cómo será su evolución** a lo largo del tiempo.
- Para saber más: <https://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S1567134820301829>; <https://www.nytimes.com/es/interactive/2020/04/30/science/coronavirus-mutacion.html>

